



#4

PAGE: 1
05/17/2002

VERIFICATION SUMMARY REPORT

DATE:

PATENT APPLICATION

TIME:

17:55:01

INPUT SEQ: A:\356A.PCT.USC1.txt

GENERAL INFORMATION SECTION

3,<110> ARIAD Gene Therapeutics, Inc.
5,<120> Expression of Proteins for Treating Asthma via
Ligand Mediated Activation of Their Encoding Genes
7,<130> 356A PCT/USC1
9,<140> 10/087,286
10,<141> 2002-03-02
12,<160> 79
14,<170> PatentIn version 3.0

ERRORED LINES SECTION

W--> 454 tcgaccctaa gangaagaga aaggtac
27
W--> 472 tcgagtacct ttctcttctt cttaggg
27

STATISTICS SUMMARY

Application Serial Number: 10/087,286A
Alpha or Numeric: Numeric
Application Class:
Application File Date: 2002-03-02
Art Unit:
Software Application: PatentIn
Total Number of Sequences: 79
Number of Errors: 0
Number of Warnings: 2
Number of Corrections: 0



356A.PCT.USC1.ST25

SEQUENCE LISTING

<110> ARIAD Gene Therapeutics, Inc.

<120> Expression of Proteins for Treating Asthma via Ligand Mediated Activation of Their Encoding Genes

<130> 356A PCT/USC1

<140> 10/087,286

<141> 2002-03-02

<160> 79

<170> PatentIn version 3.0

<210> 1

<211> 11

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Metallothionene AP1 Site

<220>

<221> promoter

<222> (1)..(11)

<223> Metallothionen AP1 site

<400> 1

tgactcagcg c

11

<210> 2

<211> 13

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> pBS-GAL4 5' fragment

<220>

<221> PEPTIDE

<222> (1)..(13)

<223> pBS-GAL4 5' fragment

<400> 2

Met	Lys	Leu	Leu	Ser	Ser	Ile	Arg	Gln	Leu	Thr	Val	Ser
1				5					10			

<210> 3

<211> 94

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> pBS-GAL4 5' fragment

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(94)

<223> pBS-GAL-4 5' fragment

<400> 3

cgacaccg	gccaccatga	agctactgtc	ttctatcgga	cagttgactg	tatcg
gtcga	60				

ctgtcgctgt	caactgacat	agccagctga	cagc
	94		

<210> 4

<211> 12

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> pBS-HNF 5' fragment

<220>

<221> PEPTIDE

<222> (1)..(12)

<223> pBS-HNF 5' fragment

<400> 4

Met Val Ser Lys Leu Ser Ala Phe Arg His Lys Leu
 1 5 10

<210> 5
 <211> 90
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> pBS-HNF 5' fragment

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(90)
 <223> pBS-HNF 5' fragment

<400> 5
 cgacaccgcg gccaccatgg tttctaagct gagcccttcc ggcacaagtt ggtcg
 actgt 60

cggggaaggcc gtgttcaacc agctgacagc
 90

<210> 6
 <211> 11
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> generic start site

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(11)
 <223> generic start site

<400> 6
 ggccaccatg c
 11

<210> 7
 <211> 17

<212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> generic start site, complement

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(17)
 <223> generic start site, complement

<400> 7
 cgccggtggt acgagct
 17

<210> 8
 <211> 11
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> generic start site + NLS

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(11)
 <223> generic start site + NLS

<400> 8

Leu	Asp	Pro	Lys	Lys	Lys	Arg	Lys	Val	Leu	Glu
1				5					10	

<210> 9
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> generic start site + NLS

<220>
 <221> misc_feature

<222> (1)..(27)
 <223> generic start site + NLS

<400> 9
 tcgaccctaa gaagaagaga aaggtac
 27

<210> 10
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> generic start site + NLS, complement

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> generic start site + NLS, complement

<400> 10
 gggattcttc ttctctttcc atgagct
 27

<210> 11
 <211> 6
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> NF2/3V1E 5' end

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(6)
 <223> NF2/3V1E 5' end

<400> 11

Ala Pro Pro Thr Asp Val
 1 5

<210> 12
 <211> 29
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> NF2/3V1E 5' end

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(29)
 <223> NF2/3V1E 5' end

<400> 12
 cgacagtcga cgcccccccg accgatgtc
 29

<210> 13
 <211> 5
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> NF2/3V1E 3' end

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(5)
 <223> NF2/3V1E 3' end

<400> 13

Asp Glu Tyr Gly Gly
 1 5

<210> 14
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> NF2/3V1E 3' end

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(26)
 <223> NF2/3V1E 3' end

<400> 14
 gacgagtacg gtgggctcga gtgtcg
 26

<210> 15
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> NF2/3V1e 3' end, complement

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(26)
 <223> NF2/3V1E 3' end, complement

<400> 15
 ctgctcatgc caccgagct cacagc
 26

<210> 16
 <211> 38
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> oligo 27

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(38)
 <223> oligo 37

<400> 16

cgacaccgcg gccacccatga agctactgtc ttctatcg
38

<210> 17
<211> 28
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligo 38

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(28)
<223> oligo 38

<400> 17
cgacagtcga ccgatacagt caactgtc
28

<210> 18
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligo 39

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> oligo 39

<400> 18
cgacaccgcg gccacccatgg tttctaagct gagg
34

<210> 19
<211> 28
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> oligo 40

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(28)

<223> oligo 40

<400> 19

cgacagtcga ccaacttggtg ccggaagg
28

<210> 20

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligo 43

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(29)

<223> oligo 43

<400> 20

cgacagtcga cgcccccccg accgatgtc
29

<210> 21

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligo 44

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(26)

<223> oligo 44

<400> 21
cgacactcga gccaccgta ctcgtc
26

<210> 22
<211> 11
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligo 45

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(11)
<223> oligo 45

<400> 22
ggccaccatg c
11

<210> 23
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligo 46

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(17)
<223> oligo 46

<400> 23
tcgagcatgg tggccgc
17

<210> 24

<211> 27
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> oligo 47: Where n = C or A

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(27)
 <223> oligo 47

<400> 24
 tcgaccctaa gangaagaga aaggtac
 27

<210> 25
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> oligo 48. Where n = G or T

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(26)
 <223> oligo 48

<400> 25
 tcgagtacct ttctcttcnt cttaggg
 27

<210> 26
 <211> 306
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(306)
 <223> p65 activation domain

<400> 26
 ctggggggcct tgcttggcaa cagcacagac ccagctgtgt tcacagacct ggcat
 ccgtc 60

 gacaactccg agtttcagca gctgctgaac cagggcatac ctgtggcccc ccaca
 caact 120

 gagcccatgc tgatggagta ccctgaggct ataactcgcc tagtgacagg ggccc
 agagg 180

 cccccgacc cagctcctgc tccactgggg gccccggggc tccccaatgg cctcc
 tttca 240

 ggagatgaag acttctcctc cattgcggac atggacttct cagccctgct gagtc
 agatc 300

 agctcc
 306

<210> 27
 <211> 72
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> pZHWTx8SVEAP

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(72)
 <223> pZHWTx8SVEAP tandem ZHFHD1 binding sites

<400> 27
 ctagctaata atgggcgctc gagtaata gatggcggtcga ctaata gatgg gcgct
 cgagt 60

 aatgatgggc gt
 72

<210> 28
 <211> 31

<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> 5'Xba/Zif primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(31)
<223> 5'Xba/Zif primer

<400> 28
atgctctaga gaacgccccat atgcttgccc t
31

<210> 29
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> 3'Zif+G primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> 3'Zif+G primer

<400> 29
atgcgcggcc gccgcctgtg tgggtgcgga tgtg
34

<210> 30
<211> 33
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> 5'Not OctHD primer

<220>
<221> misc_feature

<222> (1)..(33)
 <223> 5'Not OctHD primer

<400> 30
 atgcgcggcc gcaggaggaa gaaacgcacc agc
 33

<210> 31
 <211> 49
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> Spe/Bam 3'Oct primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(49)
 <223> Spe/Bam 3'Oct primer

<400> 31
 gcatggatcc gattcaacta gtgttgattc ttttttcttt ctggcggcg
 49

<210> 32
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> FKBP 5'Xba primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(30)
 <223> FKBP 5'Xba primer

<400> 32
 tcagtctaga ggagtgcagg tggaaaccat
 30

<210> 33
 <211> 40
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> FKBP 3' Spe/Bam primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(40)
 <223> Spe/Bam primer

<400> 33
 tcagggatcc tcaataacta gtttccagtt ttagaagctc
 40

<210> 34
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> VP16 5' Xba primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(28)
 <223> VP16 5' Xba primer

<400> 34
 actgtctaga gtcagcctgg gggacgag
 28

<210> 35
 <211> 43
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> VP16 3' Spe/Bam primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(43)
 <223> VP16 3' Spe/Bam primer

<400> 35
 gcatggatcc gattcaacta gtcccaccgt actcgtcaat tcc
 43

<210> 36
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> p65 5' Xba primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(31)
 <223> p65 5' Xba primer

<400> 36
 atgctctaga ctggggggcct tgcttggcaa c
 31

<210> 37
 <211> 39
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> p65 3' Spe/Bam primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(39)
 <223> p65 3' Spe/Bam primer

<400> 37

gcatggatcc gctcaactag tggagctgat ctgactcag
39

<210> 38
<211> 125
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> pBJ5/NF1E 5' end

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(125)
<223> pBJ5/NF1E 5'

<400> 38
ccgcggccac catgctcgac cctaagaaga agagaaaggt actcgagggc gtgca
ggtgg 60

agcttctaaa actggaagtc gactatccgt acgacgtacc agactacgca ctgca
ctaag 120

aattc
125

<210> 39
<211> 35
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> pBJ5/NF1E 5' end

<220>
<221> PEPTIDE
<222> (1)..(35)
<223> pBJ5/NF1E 5' end

<400> 39

Met Glu Asp Pro Lys Lys Lys Arg Lys Val Leu Glu Gly Val Gln

Val

1

5

10

15

Glu Leu Leu Lys Leu Glu Val Asp Tyr Pro Tyr Asp Val Pro Asp
Tyr

20

25

30

Ala Glu Asp

35

<210> 40

<211> 32

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> FRAP fragment a - primer 1

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(32)

<223> FRAP fragment a - primer 1

<400> 40

cgagtctcga gcttggaacc ggacctgccg cc

32

<210> 41

<211> 9

<212> PRT

<213> Artificial

<220>

<223> FRAP fragment a - primer 1

<220>

<221> PEPTIDE

<222> (1)..(9)

<223> FRAP fragement a - primer 1

<400> 41

Leu Glu Leu Gly Thr Gly Pro Ala Ala
 1 5

<210> 42
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment b - primer 2

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(33)
 <223> FRAP fragment b - primer 2

<400> 42
 cgagtctcga ggtgagcgag gagctgatcc gac
 33

<210> 43
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment b - primer 2

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(9)
 <223> FRAP fragment b - primer 2

<400> 43

Leu Glu Val Ser Glu Glu Leu Ile Arg
 1 5

<210> 44
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment c - primer 3

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(32)
 <223> FRAP fragment c - primer 3

<400> 44
 cgagtctcga ggagatgtgg catgaaggcc tg
 32

<210> 45
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment c - primer 3

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(9)
 <223> FRAP fragment c - primer 3

<400> 45

Leu Glu Glu Met Trp His Glu Gly Leu
 1 5

<210> 46
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment a - primer 4

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(32)
 <223> FRAP fragment a - primer 4

<400> 46
 attggctggg gccctttctg ggtcgaccga gt
 32

<210> 47
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment a primer 4

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(9)
 <223> FRAP fragment a primer 4

<400> 47

Ile Gly Trp Cys Pro Phe Trp Val Asp
 1 5

<210> 48
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment b - primer 5

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(32)
 <223> FRAP fragment b - primer 5

<400> 48
 ttggctgtgc caggaacata tgtcgaccga gt
 32

<210> 49

<211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment b - primer 5

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(9)
 <223> FRAP fragment b - primer 5

<400> 49

Leu Ala Val Pro Gly Thr Tyr Val Asp
 1 5

<210> 50
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment c - primer 6

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(32)
 <223> FRAP fragment c - primer 6

<400> 50
 ttccgacgaa tctcaaagca ggtcgaccga gt
 32

<210> 51
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> FRAP fragment c - primer 6

<220>

<221> PEPTIDE
 <222> (1)..(9)
 <223> FRAP fragment c - primer 6

<400> 51

Phe Arg Arg Ile Ser Lys Gln Val Asp
 1 5

<210> 52
 <211> 29
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> intermediate NV*E 3' end

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(29)
 <223> intermediate NV*E 3' end

<400> 52
 cgacactcga ggcccccccg accgatgtc
 29

<210> 53
 <211> 8
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> intermediate NV*E 5' end

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(8)
 <223> intermediate NV*E 5' end

<400> 53

Leu Glu Ala Pro Pro Thr Asp Val

1

5

<210> 54
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> Artificial

 <220>
 <223> intermediate NV*E 3' end

 <220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(26)
 <223> intermediate NV*E 3' end

<400> 54
 gacgagtacg gtgggggtcga ctgtcg
 26

<210> 55
 <211> 7
 <212> PRT
 <213> Artificial

 <220>
 <223> intermediate NV*E 3' end

 <220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(7)
 <223> intermediate NV*E 3' end

<400> 55

Asp Glu Tyr Gly Gly Val Asp
 1 5

<210> 56
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial

 <220>

<223> oligo-1

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(32)

<223> oligonucleotide-1

<400> 56

cgagtctcga gcttggaacc ggacctgccg cc
32

<210> 57

<211> 32 .

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligo-2

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(32)

<223> oligonucleotide-2

<400> 57

cgagtctcga ggtgagcgag gagctgatcc ga
32

<210> 58

<211> 32

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligo-3

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(32)

<223> oligonucleotide-3

<400> 58
cgagtctcga ggagatgtgg catgaaggcc tg
32

<210> 59
<211> 32
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligo-4

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(32)
<223> oligonucleotide-4

<400> 59
actcggtcga cccagaaagg gcaccagcca at
32

<210> 60
<211> 32
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligo-5

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(32)
<223> oligonucleotide-5

<400> 60
actcggtcga catatgttcc tggcacagcc aa
32

<210> 61
<211> 32
<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligo-6

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(32)

<223> oligonucleotide-6

<400> 61

actcggtcga cctgctttga gattcgtcgg aa
32

<210> 62

<211> 29

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligo-7

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(29)

<223> oligonucleotide-7

<400> 62

cgacactcga ggcccccccg accgatgtc
29

<210> 63

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligo-8

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(26)

<223> oligonucleotide-8

<400> 63
cgacagtcga cccacccgta ctcgtc
26

<210> 64
<211> 161
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> NRc1V1E

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(161)
<223> NRc1V1E

<400> 64
ccgcggccac catgctcgac cctaagaaga agagaaaggt actcgaggag atgtg
gcatg 60

aacgaatctc aaagcaggtc gaggcccccc cgaccgatga cgagtacggt ggggt
cgact 120

atccgtacga cgtaccagac tacgcactcg actaagaatt c
161

<210> 65
<211> 47
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> NRc1V1E

<220>
<221> PEPTIDE
<222> (1)..(47)
<223> NRc1V1E

<400> 65

Met Glu Asp Pro Lys Lys Lys Arg Lys Val Leu Glu Glu Met Trp
His

1 5 10 15

Glu Arg Ile Ser Lys Gln Val Asp Ala Pro Pro Thr Asp Asp Glu
Tyr

20 25 30

Gly Gly Val Asp Tyr Pro Tyr Asp Val Pro Asp Tyr Ala Glu Asp
35 40 45

<210> 66

<211> 36

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer-1

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(36)

<223> primer-1

<400> 66

gcatcaagct tcacaagaca gacttgcaaa agaagg
36

<210> 67

<211> 37

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer-2

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(37)

<223> primer-2

<400> 67

ccatagaatt cgtctataga gtcgccaccc tgatgtc
37

<210> 68

<211> 35

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer-3

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(35)

<223> primer-3

<400> 68

gcatcaagct ttttggctta attctctcgg aaacg
35

<210> 69

<211> 41

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer-4

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(41)

<223> primer-4

<400> 69

ccatagaatt cagatttaaa attcaaatat tgcaggcagg a
41

<210> 70
<211> 37
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer-5

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(37)
<223> primer-5

<400> 70
gcatcaagct tatgcacagc tcagcactgc tctggtg
37

<210> 71
<211> 37
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer-6

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(37)
<223> primer-6

<400> 71
ccatagaatt ctcagaaacg tatcttcatt gtcattg
37

<210> 72
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer-7

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer-7

<400> 72
gcatcaagct tatgaaatat acaagttata tctt
34

<210> 73
<211> 37
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer-8

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(37)
<223> primer-8

<400> 73
ccatagaatt cttactggga tgctcttcga gctcgaa
37

<210> 74
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer-9

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(36)
<223> primer-9

<400> 74
gcatcaagct tcagagtgga cgcacagtaa catggg

36

<210> 75
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> primer-10

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(36)
 <223> primer-10

<400> 75
 ccatagaatt caagggaaag ccaggcggct ctcagg
 36

<210> 76
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> primer-11

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(36)
 <223> primer-11

<400> 76
 gcatcaagct tatgtgtcca gcgcgcagcc tcctcc
 36

<210> 77
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
<223> primer-12

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(36)
<223> primer-12

<400> 77
ccatagaatt cttaggaagc attcagatag ctcgtc
36

<210> 78
<211> 35
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer-13

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(35)
<223> primer-13

<400> 78
gcatcgaatt catgtgtcac cagcagttgg tcatc
35

<210> 79
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer-14

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(36)
<223> primer-14

<400> 79

ccataatcga tctaactgca gggcacagat gcccat
36